

SEQUENCE LISTING

8	TRACE >	RODI, Charlie	
	<120>	BINDINGZYME ARRAYS AND HIGH-THROUGHPUT PROTEOMIC METHODS	
	<130>	532872000100	
		10/750,353 2003-12-31	
		US 60/437,221 2002-12-31	
	<160>	35	
	<170>	FastSEQ for Windows Version 4.0	
	<210><211><211><212><213>	27	
	<220> <223>	Primer	
	<400> gacgga		27
	<210><211><212><213>	27	
	<220> <223>	Primer	
	<400> caggt		27
	<210><211><211><212><213>	25	
	<220>	Primer	
	<400> ggcct	3 ggcca gcccatcaga cacca	25
	<210><211><212><213>	29	
	<220> <223>	Primer	
	<400>	4	20

<211> 27 <212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220> <223> Primer	
<400> 5	27
gacggatcca tgggagcctc cttctgg	21
<210> 6 <211> 28	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 6	20
caggtcgact caggggctgg gttcctca	28
<210> 7	
<211> 25 <212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 7	
ggcctggcca gcccatcaga cacca	25
<210> 8	
<211> 29 <212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 8	
aggggggatg atcgcgacgg cagagcagt	29
<210> 9	
<211> 26 <212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 9	
atagaattca tggagcccgc gaccgc	26
<210> 10	
<211> 30	
<212> DNA <213> Artificial Sequence	
21)/ Altiticial bequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 10	

atatctagat tactgactct ccacggccag	30
<210> 11	
<211> 29	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
•	
<220>	
<223> Primer	
<400> 11	
ttgagctggc cagcctatgg tgtcccttc	29
<210> 12	
<211> 29	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 12	
ggccttcagc atcgcgaccc ctgagcagt	29
ggooddago addgogaddo ddgagdagd	
<210> 13	
<211> 30	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
12137 Attititud bequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 13	
gacgaattca tgacagccat catcaaagag	30
gaogaaoooa ogaoagooao oaooaaagag	
<210> 14	
<211> 34	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
Tara in the same of the same o	
<220>	
<223> Primer	
12-07 2-2-1102	
<400> 14	
cagtotagat cagacttttg taatttgtgt atgo	34
	-
<210> 15	
<211> 35	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 15	
cacaatatcc ttttgaagcc cataacccac cacag	35
<210> 16	
<211> 39 .	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
	
<220>	
2222 Primar	

•	
<400> 16	• •
tcatgttgca gcaattcacg ctaaagctgg aaagggacg	39
<210> 17	
<211> 27	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
222	
<220>	
<223> Primer	
14005 17	
<400> 17	27
gacgaattca tgacatcgcg gagatgg	2,
<210> 18	
<211> 33	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
Ally interretal bodacing	
<220>	
<223> Primer	
<400> 18	
cagtctagat catctgaaac ttttctgctg ttg	33
<210> 19	
<211> 23	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 19	23
gacctggccg gcccacggcg tgc	
-210- 20	(
<210> 20 <211> 43	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
V2137 Artificial bequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 20	
ccagcattat attgaaacac tagcgcgcag gattgaagaa gag	43
<210> 21	
<211> 27	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 21	0.7
gacgaattca tgacatcgcg gagatgg	27
.210. 22	
<210> 22	
<211> 27	
<212> DNA	

<220> . <223> Primer	
<400> 22 cagtctagat cacctgcagt gcaccac	27
<210> 23 <211> 23 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> Primer	
<400> 23 gacctggccg gcccacggcg tgc	23
<210> 24 <211> 27 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> Primer	
<400> 24 gacgaattca tgcccaccac catcgag	27
<210> 25 <211> 32 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> Primer	
<400> 25 caggtcgaca ttgtttatag ggcattttgc tg	32
<210> 26 <211> 35 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> Primer	
<400> 26 ttatactacc tggccagctt ttggagtccc tgaat	35
<210> 27 <211> 37 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> Primer	
<400> 27 accgaatggg tcttattgcg accccagatc aactgag	37
<210> 28 <211> 30	
<212> DNA	

<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 28	
gacggatcca tggagcaagt cgagatcctg	30
<210> 29	
<211> 32	
<212> DNA <213> Artificial Sequence	
(213) Altificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 29	
caggtcgact cattcaacaa ggcaactgcg gg	32
<210> 30	
<211> 36 <212> DNA	
<212> DNA <213> Artificial Sequence	
· ·	
<220> <223> Primer	
<400> 30 tatgtgaact ggccvagccc atgatgttcc ttcatc	36
tatgtgaact ggccvagccc atgatgetec tecate	30
<210> 31	
<211> 43 <212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 31	
cacaaaggca ttctgcagta gcaacaaagg agcaatatga act	43
210. 22	
<210> 32 <211> 31	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 32	
gacggatcca tggagatgga aaaggagttc g	31
<210> 33	
<211> 31	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> Primer	
<400> 33	
caggtcgacc tatgtgttgc tgttgaacag g	31
<210× 34	

	<211> 29 •	
	<212> DNA	
	<213> Artificial Sequence	
	<220>	
	<223> Primer	
	<400> 34	
	taccacatgg cctgcctttg gagtccctg	29
	040 25	
•	<210> 35	
	<211> 29	
	<212> DNA	
	<213> Artificial Sequence	
	<220>	
	<223> Primer	
	400 25	
	<400> 35	2.0
	gatggggctg atcgcgacag ccgaccagc	29